

Impact d'une exposition embryonnaire à l'alcool sur la programmation de la méthylation de l'ADN

Numéro de l'offre de stage : No. 11

Équipe de recherche

Serge McGraw, Ph.D.

Professeur Sous-Octroi Adjoint

Département Obstétrique-Gynécologie,

Faculté de Médecine, Université de Montréal

Axe de Recherche : Pathologies foetomaternelles et néonatales

Coordonnées

serge.mcgraw@umontreal.ca

Centre de recherche du CHU Sainte-Justine

3175 Chemin de la Côte-Ste-Catherine

Montréal, Qc, H3T 1C5

Responsable de la supervision du stagiaire

Serge McGraw

Professeur Sous-Octroi Adjoint

Description du projet

Le projet suggéré vise à identifier comment la perturbation des modifications épigénétiques chez le jeune embryon peut mener à des problèmes de développement du cerveau. Nous utilisons des modèles innovateurs de souris (syndrome d'alcoolisme foetal) afin de définir à haute résolution la chronologie et l'évolution des dérèglements épigénétiques au cours du développement du cerveau. **Nous sommes à la recherche d'un stagiaire en bio-informatique.** Le stagiaire sera supervisé par un bio-informaticien sénior avec amplement d'expérience dans l'analyse de données de séquençage nouvelle génération (e.g. méthylation ADN, Chip-Seq, RNA-Seq). Lors de son stage d'été, le stagiaire aura un projet qui comprendra l'analyse intégral de données, mais également la programmation et la mise au point de certains pipelines d'analyses pour fin d'automatisation. Une expérience en programmation et/ou Linux est souhaitable.

Mots clés

Épigénétique, bio-informatique